

# INCIDENCE DE *Listeria* spp. ET AUTRES BACTÉRIES PATHOGÈNES DANS LE LAIT CRU BOVIN RECOLTÉ DANS LE SEMI-ARIDE ET LE NORD EST ALGERIENS

Abdelhafid BOUBENDIR <sup>1</sup>, Abdelhafid Mohamed HAMIDECHI <sup>1</sup>, Saad IBN SOUDA KORAICHI <sup>2</sup>, Mohamed MOSTAKIM <sup>2</sup>

<sup>1</sup>Université Mentouri, Constantine,  
Algérie

<sup>2</sup>Laboratoire de Biotechnologie Microbienne, USMBA, Fes,  
Maroc [a.hafid.bio@gmail.com](mailto:a.hafid.bio@gmail.com)

Peu de travaux ont été consacrés à l'étude *Listeria* spp. en Algérie, et nulle dans la zone du Semi- Aride. Dans notre travail nous étudions l'incidence de *Listeria* spp. et autres bactéries pathogènes dans le lait cru bovin, récolté en Algérie dans le Semi-Aride (Région de Biskra) et le Nord-Est (Région de Mila), ce si dans le but de:

-Analyser la diversité floristique bactérienne du lait cru.

-Déceler une éventuelle influence saisonnière sur l'incidence bactérienne.

-Déceler une éventuelle influence de la région sur l'incidence bactérienne.

-Evaluer l'influence des facteurs de l'environnement : température et humidité, sur la flore bactérienne

du lait récolté.

-Analyser le risque infectieux de *Listeria* sp. et autres bactéries pathogènes dans le lait cru dans les deux régions.

Parmi 50 échantillons de lait cru bovin analysés jusque là, la fréquence de *Enterococcus* spp. était de

12%, *Listeria* spp. 8%, *Staphylococcus* spp. et *Acinetobacter* spp. 6%, *Proteus* spp.,

*Pseudomonas*

spp. et *Aeromonas* spp

4%.

L'isolement a été réalisé par stockage à froid à 4°C durant 3 semaines, suivi d'une culture sur gélose

au sang cuit additionnée de Cefazoline. L'identification génotypique a été effectuée par séquençage du gène ADN<sub>r</sub> 16S amplifié par PCR, en présence d'amorces de gènes universels fD1 (5'AGAGTTTGATCCTGGCTCAG3') et Rs16 (5'TACGGCTACCTTGTTACGACTT3').

L'efficacité de la PCR est testée sur gel d'agarose à 1%. Les résultats du séquençage obtenus ont été confrontés par analyse bioinformatique à la base de donnée BLASTn supportée par NCBI.

**Mots clés :** *Listeria* spp., isolement, prévalence, PCR, ADN<sub>r</sub> 16S.